



RACE 序列比对软件使用说明

V20.1

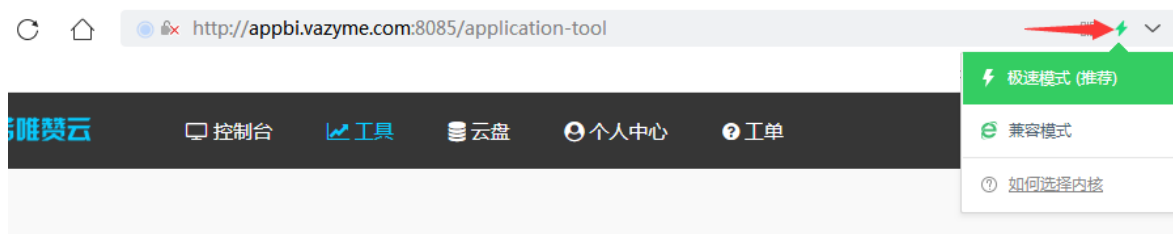
南京诺唯赞生物科技股份有限公司
Nanjing Vazyme Biotech Co.,Ltd.

软件链接： appbi.vazyme.com:8085

1、信息输入

a. 打开浏览器，复制以上链接进入诺唯赞云。

注：若使用 360 浏览器，请在进入链接后使用极速模式。切换模式如下图所示。

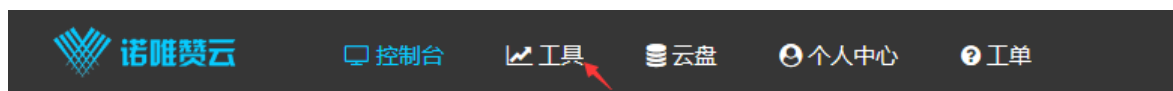


b. 注册账号

c. 点击“立即使用”按钮



d. 点击上方选项栏中的“工具”选项



e. 选择“get_target_seq_RACE” RACE 测序结果序列比对软件



f. 进入项目创建页面

基础信息

项目编号: ← **注意：项目编号不能重复**

项目路径: ← **该路径为云平台分析输出路径，建议使用默认“project”路径**

配置信息

输入序列: ← **fasta格式：
> ID 号 (第1行)
序列信息 (第2行)**

RACE分析类型: ← **选择5端RACE分析 或者 3端RACE分析**

GSP序列配置

序列ID号	GSP(5端-3端)	操作
<input type="text"/>	<input type="text"/>	<input type="button" value="删除"/>

↑ **即在“输入序列”框中输入的ID号**

↑ **GSP引物序列，方向必须是5端至3端**

← **多个序列同时分析时，可添加输入框的个数**

← **删除输入框的个数**

例：2 个 RACE 分析类型相同序列同时比对。如下图所示：

基础信息

项目编号: 1-1

项目路径: project/

配置信息

第1个序列ID号 → 输入序列 → 5-1M → 输入第1个序列

第2个序列ID号 → 5-2M → 输入第2个序列

RACE分析类型: 5端RACE分析

GSP序列配置

增加

序列ID号	GSP(5端-3端)	操作
第1个序列ID号 → 5-1M	GGTAACTGGGTTTCAGCAGAGCGGCAGATA	← 输入第1个序列 GSP引物
第2个序列ID号 → 5-2M	TTACCAGTGGCTGCTGCCAGTGGCGATAAGTCGGG	← 输入第2个序列 GSP引物

2、运行分析

a. 点击“运行分析”

GSP序列配置

增加

序列ID号	GSP(5端-3端)	操作
5-1M	GGTAACTGGGTTTCAGCAGAGCGGCAG	删除

运行分析 结果下载 进度: 未分析

b. 运行完成时会显示“分析完成”，已完成的分析用户可自行选择“重新分析”或点击“结果下载”

GSP序列配置

增加

序列ID号	GSP(5端-3端)	操作
5-1M	GGTAACTGGGTTTCAGCAGAGCGGCAG	删除

重新分析 结果下载 分析完成

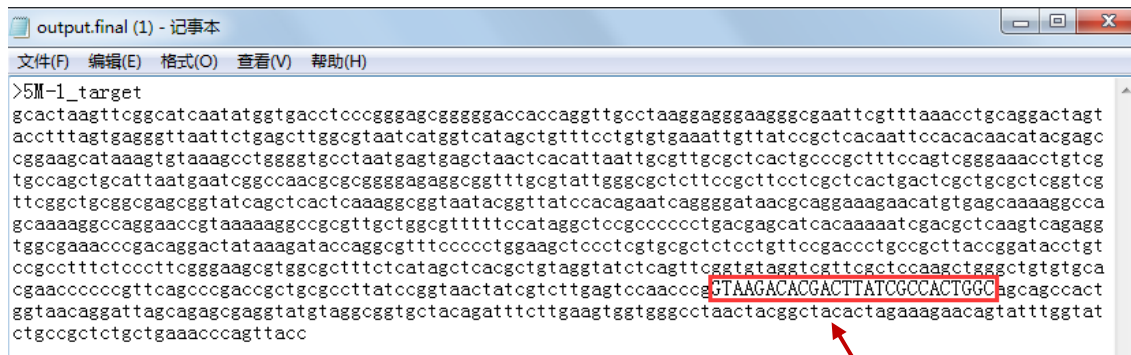
3、运行结果

a. 点击“**结果下载**”，获得结果文件为 output.final.txt 文件。

- ① 文件中所展示的序列为**与 RNA 序列一致的 DNA 序列**，序列方向为 5'端到 3'端；
- ② 文件中所给到的序列，**GSP 序列会用大写字母显示**，如见下图红色方框所示，即为该序列 GSP 序列；
- ③ **5 端 RACE 所得序列的 3' 端为输入的 GSP 序列的反向互补序列**，**3 端 RACE 所得序列的 5' 端为输入的 GSP 序列**。

例：

- ① 5 端 RACE 分析结果：



```
>5M-1_target
gcactaagtttcggcatcaatatggtgacctcccgaggagcgggggaccaccagggttgctaaggagggaagggcgaattcggttaaacctgcaggactagt
accttttagtgagggttaattctgagcttggcgtaatcatggtcatagctgtttctctgtgtaaatgtttatccgctcacattccacacacatacagac
cggaagcataaagtgtaaagcctgggggtgcctaatgagtgagctaaactcacattaatgctgtgcgtcactgcccgtttccagtcgggaaacctgtcg
tgcagctgcattaatgaatcgcccaacgcggggagaggcggtttgcgtattggcgctcttccgcttctcgtcactgactgcgtgcgtcggtcg
ttcgctgcggcgagcggtatcagctcactcaaaaggcggttaatacgggttatccacagaatcaggggataacgcaggaaagaacatgtgagcaaaaggcca
gcaaaaggccaggaaacgtaaaaaggccgcttgcgtggcggttttccatagggtccgccccctgacgagcatcacaaaaatcgacgtcaagtcagagg
tggcgaaacccgcagaggactataaagataccaggcggtttccccctggaagctccctcgtgcgtctcctgttccgacctgcgcgttacoggatacctgt
ccgctttctcccttcgggaagcgtggcgctttctcatagctcacgctgtaggatctcagttcaggttaggtcgttccgctccaagctggcggtgtgtga
cgaaccccccttccagccgacgcgtgcgcttatccgtaactatcgtcttgagtcacacccgGTAAGACACGACTTATCGCCACTGGCagcagccact
ggttaacaggattagcagagcagaggtatgtaggcggtgctacagattcttgaagtgtgtggcgcttaactacggctacactagaaagaacagtatttggtat
ctgccgtctgctgaaacccagttacc
```

为输入软件中 GSP 序列的反向互补序列

- ② 3 端 RACE 分析结果：



```
>3M-3_target
ctacagagagaatatctgttagtagccggcgagacaaacaaacccctgggttttgggaataatcccttgattaccagggtgggggtgtgttccccagggtgggcaga
tatattttgggtgttttttcccggttggGGGTCTTCAAAGGGAGTATATtttacgcgttatagaggcgccagggtgtttgggtgttgaaacgggggtttttgcggc
cccacccgcccatcttgggagggagacccctctcaccgccgaaggggtgatccctaccagggtgggatattatagaagaaaaggccccccttcttccaaaagg
ggaaaaaggcgccagcagatttctctataaagccccattttcaacaccaggaggcgccaaggaggagtttccgagggggaaaccccggtttttttattgtccttt
gggttttccccccctttgacgagagggcgattttgagaggccccacggggggggagcctagagaaaaaccccccaacacgcccccttttacggttcgcgcccttt
tgggggcctttttctcacatttttttcggggatataccattttttggagatacccgattccctcttagagagaggatataccctctcccccccccaacccccg
agccagagtttccagtgagggggaaagggaagagcccccaatacgcacaaaccccccttccccggggtttggcggtttctttaatgcagggggccccacagttttccga
gggaaaaaggggcgaggggcgcaaccccaataatgggatttagctctctcttttgggcccccggttttaccttttatgtttccggtttatatttttggggaattggg
aggggaaaaaaatttcacacaaaaaacatttatgcccaagtttacccccagctcaaaaaatcccccccaaaaaggtaatagtcgccgaggtttaaaaaaattccccctt
aacccccccaggtgggaaaggagcggttcaaaacccccggggagaaacaaatagggggatcgccccgaaaaaacccccccccccccccccggggcaaaaaaggagcc
ccttttttaaaaaaaaccccccccccccccccccccccccccccccccccccccccccccccccccccccccccccccccccccccccccccccccccccc
```

为输入软件中的 GSP 序列

b. 查看项目详情

点击进入“**控制台**”页面，该页面可查看已分析项目及进度和删除操作。点击“**编辑**”可查看或修改操作页面；点击“**删除**”可删除该分析项目。



4、多个结果分析

重新点击工具栏中“**工具**”选项，再次输入需要分析的序列信息，进行二次分析。