

Hyperactive DNA Spike-in Control for CUT&Tag

NS101

Version 23.1



产品概述

Hyperactive DNA Spike-in Control for CUT&Tag是适用于CUT&Tag文库数据校正的参照标准DNA片段，主要用于不同样本间测序数据相互标准化，以达到不同样本间可相互比较的目的，可减少从样本制备到数据分析的操作流程中产生的误差。

产品组分

组分	NS101-01 (48 rxns)
■ Hyperactive DNA Spike-in Control for CUT&Tag (5 ng/μl)	48 μl

保存条件

-30 ~ -15°C保存，≤0°C运输。

适用范围

本产品适用于针对Illumina平台的CUT&Tag文库数据校正。

注意事项

本产品仅供科学研究使用，不得用于临床医学诊断及非合理用途。

- 试剂盒中提供的DNA Spike-in是大肠杆菌λDNA的一段序列，浓度为5 ng/μl，推荐添加量为1 pg/100,000细胞，可根据样本中目的蛋白丰度以及细胞投入量进行调整；
- DNA Spike-in为非必需添加组分，可根据实际情况选择是否添加；
- DNA Spike-in标准品序列如下：

```
ATAACTCAATGTTGGCCTGTATAGCTTCAGTGATTGCGATTGCGCTGTCTCTGCCTAATCCAAACTCTTTACCCGTCCTTGGGTC  
CCTGTAGCAGTAATATCCATTGTTTCTTATATAAAGGTTAGGGGGTAAATCCCGGCGCTCATGACTTCGCCTTCTTCCCATTCTG  
ATCCTCTTCAAAGGCCACCTGTTACTGGTCGATTTAAGTCAACCTTTACCGCTGATTTCGTGGAACAGATACTCTTCCATCCTT  
AACCGGAGGTGGGAATATCCTGCATTCCCGAACCCATCGACGA
```

实验流程

- Hyperactive DNA Spike-in Control for CUT&Tag作为参照标准，需在DNA提取流程时添加至样本中，与样本一起进行提取以及后续的文库构建流程，具体实验流程请参考[Hyperactive Universal CUT&Tag Assay Kit for Illumina Pro \(Vazyme #TD904\)](#)；
- Hyperactive DNA Spike-in Control for CUT&Tag的数据分析流程为原始数据过滤掉不合格的Reads后，进行DNA Spike-in校正(DNA Spike-in校正算法可参考文献：*An Alternative Approach to ChIP-Seq Normalization Enables Detection of Genome-Wide Changes in Histone H3 Lysine 27 Trimethylation upon EZH2 Inhibition*. DOI: 10.1371/journal.pone.0166438.或可联系Vazyme技术支持获取帮助：support@vazyme.com)。